

Tecnologías de masa nominal SCIEX



SCIEX 7500 system – QTRAP ready

Ofrece mayor nivel de sensibilidad que los sistemas SCIEX anteriores. Está integrado con tecnología innovadora, que permite una cuantificación de muy baja concentración de analitos en matrices crudas y complejas.



SCIEX Triple Quad 6500+ system

Presenta tecnología IonDrive de múltiples componentes que supera los límites de la cuantificación. La sensibilidad, la velocidad y el rendimiento que brindan estas mejoras tecnológicas le permiten verlo todo, desde compuestos de masa baja hasta compuestos de masa alta.



SCIEX 5500+ system – QTRAP ready

Está equipado para conquistar los complejos flujos de trabajo de su laboratorio. Con este sistema LC-MS/MS, tiene la sensibilidad y el rendimiento para cumplir con las exigencias analíticas y reglamentarias para la detección de trazas de bajo nivel con facilidad.



SCIEX Triple Quad 4500 system

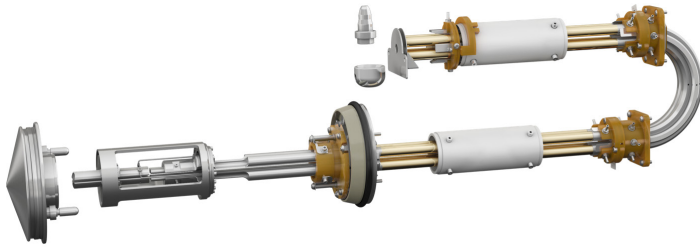
Toma la plataforma API 4000 y la rediseña de manera inteligente para establecer un nuevo punto de referencia para la cuantificación confiable. Diseñado para la investigación alimentaria, ambiental, forense y clínica.



SCIEX Triple Quad 3500 system

Ofrece productividad, confiabilidad y robustez en una especificación de masas de nivel de entrada modernizada para los laboratorios analíticos de hoy. Velocidad, precisión y rendimiento legendario.

Ventajas de uso del QTRAP



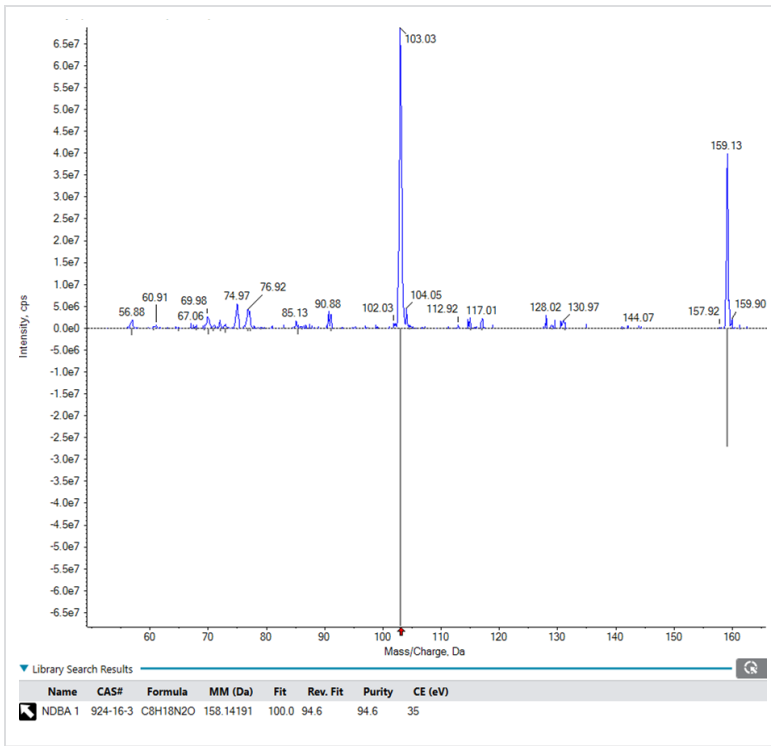
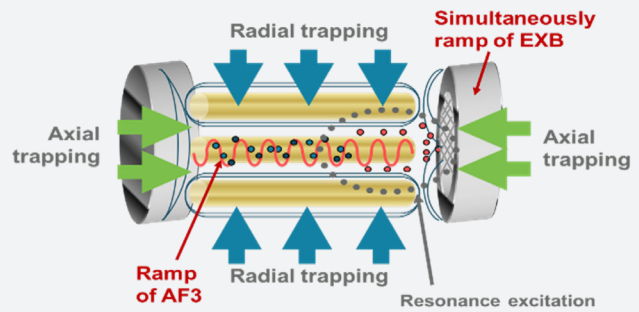
Ofrece cuantificación confiable y búsqueda en bibliotecas, con una sensibilidad de escaneo completo 100 veces mayor que los triple quads básicos de la misma clase.

Captura:

Los iones entran en la trampa de iones lineales, son atrapados radialmente por campos cuadrupolares (RF) y no pueden salir de la trampa debido al potencial de salida de la celda (CXP) y la barrera de salida (EXB)

Exploración:

Los nuevos iones no pueden entrar en la trampa debido al alto potencial aplicado en IQ3, la rampa de frecuencia auxiliar (AF3) y EXB



Funcionalidad de Búsqueda en bibliotecas espectrales:

El escaneo de los iones atrapados es usado para dar un espectro completo de MS/MS.

Si hay presente una biblioteca de los compuestos analizados, se puede utilizar para proporcionar una coincidencia de biblioteca y una puntuación de aciertos que brinde mayor confianza en la especificidad del análisis sin tener que realizar múltiples inyecciones.